

Éric VIARA

né le 15 décembre 1958 à St-Denis (93) – Trois enfants

30, avenue du Général Leclerc – 91330 Yerres

Téléphone : 06 07 58 38 31

e-mail : viara@sysra.com

Langues : anglais courant

DOMAINES D'EXPERTISE

- Architecture des logiciels
- Technologies Orientées Objet
- SGBDR et SGBDO
- Interfaces graphiques
- Technologies du Web

EXPÉRIENCE PROFESSIONNELLE

depuis 1993 : **SYSRA, SSI** spécialisée dans les technologies objets, les interfaces homme-machines, les SGBDR et SGBDO

- Créateur et directeur** de la société

Direction et action commerciale.

- Ingénieur développeur, consultant et chef de projet**

GenomeQuest

- Réalisation du système de requêtage et d'indexation du logiciel Biofacet.

Institut Curie

- Réalisation d'une interface Java pour la visualisation et la manipulation de *micro-arrays* (puces ADN)
- Implémentation d'algorithmes d'analyse de *micro-arrays*

Etrali / Orange Business

- Conception et réalisation d'un *framework* Java pour des terminaux de salles de marché.

CRI Infobiogen

- Réalisation d'interfaces graphiques et de services WEB.
- Conduite d'un projet d'intégration de données génomiques et protéomiques basé sur le SGBDOO EYEDB.

Genoplante Info

- Participation au développement d'un environnement logiciel de cartographie comparée des génomes de plantes en technologie Java : JSP et applets.

Genopole

- Assistance à la maîtrise d'ouvrage du site WEB de GENOPOLE : <http://www.genopole.org>.

CNRS / UMS Science & Décision

- Développement et mise en place du site WEB Science & Décision : <http://www.science-decision.net>.

INSERM / Orphanet

- Réalisation de l'architecture logicielle des interfaces de mise à jour et de consultation de la base de données ORPHANET sur les maladies rares et les médicaments orphelin : <http://www.orpha.net>.
- Réalisation de l'application *OrphanXChange* : <http://www.orphanxchange.org>.

Globe ID

- Réalisation d'un démonstrateur de porte monnaie virtuel en langage Java pour un serveur de paiement.
- Réalisation d'un outil de rétro-engineering d'un environnement persistant relationnel (ORACLE) vers un environnement objet.

IRCAM

- Restructuration du modèle objet d'un logiciel de synthèse de son en temps réel : FTS.
- Adaptation et optimisation de FTS pour une architecture multi-processeurs TMS 320C40.

Genset

- Réalisation d'un logiciel graphique de suivi de production de séquençage du génome humain utilisant l'environnement IlogViews.

Grif

- Participation à l'ingénierie de l'éditeur SGML GRIF.

INRIA

- Réalisation d'un logiciel graphique de suivi de calculs intensifs sur machines interconnectées pour le séquençage de génomes.

Sysra R&D

- Développement sur fond propre du SGBDOO EYEDB (<http://www.eyedb.org>) basé sur le standard ODMG.
- Conception, réalisation et conduite d'un projet d'intégration et de manipulation de données génomiques et protéomiques en collaboration avec le CRI Infobiogen et subventionné par le Ministère de la Recherche, Direction de la Technologie.

1992-1993 : Ingénieur consultant à GÉNÉTHON, laboratoire de recherche en Biologie Moléculaire

Evaluation de SGBDOO du marché : ObjectStore, Postgres, Exodus, MATISSE.

Conception et réalisation d'une plate-forme logicielle, HUGEMAP, permettant l'exploitation des données génétiques nécessaires à l'élaboration d'une carte intégrée du génome humain.

Réalisation d'interfaces graphiques en OSF Motif pour HUGEMAP.

1989-1992 : Chargé de Recherche à l'IRCAM, Institut de Recherche et Coordination Acoustique/Musique

Dans la cadre du projet Ircam Signal Processing Workstation (ISPW), responsable de la plate-forme logicielle de développement :

- Conception et réalisation d'un système d'exploitation multi-tâches, multi-processeurs et temps réel, compatible UNIX V.3 sur un réseau de cartes bi-processeurs Intel 860.
- Encadrement d'un équipe chargée du portage et de la maintenance d'un environnement UNIX (compilateurs, utilitaires, bibliothèques) sur ce système.

1987-1989 : Ingénieur développeur à MÉTASOFT, détaché à l'INRIA au GISPSI SM 90, puis GIPSI SA

Participation à l'élaboration d'une chaîne CAO pour la conception de circuits imprimés basé sur le logiciel CADroid développé à LUCAS FILM.

Chargé du portage du serveur X sur DPX 1000 couleur (station BULL).

1985-1986 : Chargé de Recherche à l'IRCAM

Portage et extension de logiciels de synthèse et de filtrage de son sur un processeur vectoriel FPS 100 :

- Programme CHANT, initialement développé par Xavier Rodet et Yves Potard et programme de vocodeur de phase et de convolution rapide.

1981-1985 : Ingénieur d'étude à la CIT ALCATEL, La Verrière

Chargé d'étude dans le domaine de la synthèse de parole.

ENSEIGNEMENT

□ Chargé du cours *UNIX Device Drivers* dans le cadre du Mastère Architectures et temps Réel au CERICS/CERAM (Sophia Antipolis) de 1990 à 1992.

□ Chargé du cours *Compilation Aspects Syntaxiques*, filière SFI (Systèmes Formels Informatiques), 3ème année de l'ENSTA entre 1990 et 1998.

□ Formateur UNIX (initiation, administration et réseaux), C, C++, X Window et OSF MOTIF à DEFI Formation et à NSL entre 1990 et 1996, C++ à ORSYS depuis 1999.

□ Chargé du cours *Base de données objet* dans le cadre de la formation d'ingénieurs en Ingénierie Logicielle à l'Institut Galilée, Université Paris 13 en 2001 et 2002.

□ Chargé du cours *Base de données avancées* dans le cadre du DESS EID à l'Université Paris 13 en 2001.

□ Chargé du cours *Bases de données : du relationnel à l'objet* dans le cadre de la spécialisation informatique à l'INA-PG en 2002 et 2003.

□ Chargé du cours *Bases de données* dans le cadre du Mastère Systèmes Informatiques Ouverts (SIO) à l'École Centrale Paris depuis 2005.

ÉTUDES SUPÉRIEURES

1976-1978 : Mathématiques Supérieures et Spéciales M' au Lycée St Louis Paris

1978-1981 : Ecole Nationale Supérieure des Télécommunications (E.N.S.T. Paris)

PUBLICATIONS & CONFÉRENCES

G. Chollet, J.P. Lefèvre, J.F. Galliano, E. Viara, *On the generation and use of a segment dictionary for speech coding, synthesis and recognition*, **IEEE ICASSP Proceedings**, Boston, Mass., 14-16 April 1983, pp 1328-1331.

G. Chollet, J.P. Lefèvre, E. Viara, *How to investigate duration in conversational speech?*, **Congress of Phonetics Sciences**, Utrecht, Pays-Bas, 1-6 Aout 1983, Netherlands Phonetic Archives, Foris Publication, vol IIA.

J.P. Lefèvre, E. Viara, *Synthèse à diphtones : vers une meilleure qualité...*, Actes des 13èmes Journées d'études sur la parole, **GALF**, Bruxelles, Belgique, 28-30 Mai 1984, pp 149-150.

E. Viara, J.F. Galliano, J.P. Lefèvre, *Introduction de patrons prosodiques naturels en synthèse à vocabulaire illimité*, **GALF**, PARIS, 14èmes Journées d'étude sur la parole, Mai 1985.

E. Viara, M. Puckette, *A real time operating system for computer music*, **ICMC** 1990 pp 270-272.

E. Lindeman, M. Puckette, E. Viara, *The Ircam Signal Processing Workstation - an environment for research in real-time musical signal processing and performance*, **Euro Micro Proceedings 1990**.

E. Lindeman, M. Puckette, E. Viara, *The Architecture of the IRCAM Musical Workstation*, **USENIX Summer 1991**, pp 209-220.

E. Viara, *CPOS : a real time operating system for the Ircam Musical Workstation*, **Computer Music Journal**, September 1991.

B. Lacroix, J.J. Codani, P. Gesnoux, E. Viara, S. Pook, G. Vaysseix, D. Cohen and E. Barillot, *Environment for GENETHON large scale physical mapping*, **Cold Spring Harbor**, New-York, May 12-May 16 1993.

E. Viara, S. Pook., B. Lacroix, M. Tissot, L. Atlan, A. Cohen-Akenine, G. Vaysseix and E. Barillot, *The IDB database system and its use in the human genome project : HUGEMAP*, **Interconnection of Molecular Biology Databases**, Standford, Californie 1994.

P. Rodriguez-Tomé, G. Vaysseix, E. Viara and E. Barillot, *RHmap, a radiation hybrid database for heavy user access and a test case for comparing relational and object oriented technologies*, **Interconnection of Molecular Biology Databases**, Cambridge, United Kinddom 1995.

E. Barillot, G. Vaysseix, F. Achard, E. Viara, T. Flores and P. Rodriguez-Tomé, *Solutions to the interoperation of biological databases*, **Human Genome Meeting**, Heidelberg, Germany, 1996.

E. Barillot, F. Guyon, E. Viara and G. Vaysseix, *RHYME : An Implementation of Database Interoperation in Molecular Biology based on distributed and architecture-independant techniques*, **Human Genome Meeting**, Toronto, Canada, 1997.

E. Barillot, F. Guyon, C. Cussat-Blanc, E. Viara & G. Vaysseix, *HuGeMap: a distributed and integrated Human Genome Map database*, **Nucleic Acids Research**, Vol. 26, 106-107, 1998.

F. Achard, C. Cussat-Blanc, E. Viara & E. Barillot, *The new Virgil database: a service of rich links*, **BIOINFORMATICS**, Vol. 14, 342-348, 1998.

F. Achard, C. Cussat-Blanc, E. Viara, G. Vaysseix, P. Dessen and E. Barillot, *A standard representation for links between genome objects*, **Human Genome Meeting**, Turin, Italy, 1998.

- F. Achard, C. Cussat-Blanc, E. Viara, P. Dessen, G. Vaysseix and E. Barillot, *A public interface definition for biological links*, **European J. Human Genetics**, 1998.
- E. Viara, S. Pook, F. Guyon, C. Cussat-Blanc, G. Vaysseix and E. Barillot, *Distributing and visualising biological objects at Infobiogen*, **Objects In Bioinformatics**, Hinxton, 1998
- E. Barillot, S. Pook, F. Guyon, C. Cussat-Blanc, E. Viara and G. Vaysseix, *The HuGeMap database: Interconnection and Visualisation of Human Genome Maps*, **Nucleic Acids Research**, Vol. 27, 119-122, 1999.
- E. Viara, E. Barillot and G. Vaysseix, *The EYEDB OODBMS*, **International Database Engineering and Applications Symposium 1999**, Montreal August 1999, IEEE publications, pp 390-402, 1999.
- E. Viara, E. Barillot and G. Vaysseix, *Distributing CORBA Views From an OODBMS*, **International Database Engineering and Applications Symposium 2002**, Edmonton July 2002, IEEE publications, pp 116-129, 2002.
- E. Viara, *Banques et bases de données en biologie moléculaire : de la donnée à la structure*, Conférence invitée, **BDA'02**, INT EVRY, 24 octobre 2002.
- C. Rouveirol, N. Stransky, P. Hupé, P. La Rosa, E. Viara, E. Barillot and F. Radvanyi, *Computation of recurrent minimal genomic alterations from array-CGH data*, **Bioinformatics**. 2006 Apr 1;22(7):849-56.
- S. Liva, P. Hupé, P. Neuvial, I. Brito, E. Viara, P. La Rosa and E. Barillot, *CAPweb : a bioinformatics CGH array Analysis Platform* **Nucleic Acids Research**, 34(Web Server issue) :477-481, Jul 2006.
- P. La Rosa, E. Viara, P. Hupé, G. Pierron, S. Liva, P. Neuvial, I. Brito, S. Lair, N. Servant, N. Robine, E. Manié, C. Brennetot, I. Janoueix-Lerosey, V. Raynal, N. Gruel, C. Rouveirol, N. Stransky, M.H. Stern, O. Delattre, A. Aurias, F. Radvanyi and E. Barillot, *VAMP: Visualization and Analysis of array-CGH, transcriptome and other Molecular Profiles* **Bioinformatics**, 22(17) :20662073, Sep 2006.